第13卷第4期 1998 年 12 月



Vol. 13 No. 4

Dec. 1998

372--726

23137 278

人乳头瘤病毒 16 型湖北株 E7 基因的克隆和高效表达*

赵 旻 伍欣星 赵文先

(湖北医科大学病毒研究所,武汉 430071)

摘 要 利用基因克隆技术,将 HPV16 湖北株完整的 E, 基因克隆到含乳糖操纵子的表达载体 pWR590-1 上,经限制性酶切分析获得重组质粒 pWHBE₇。 pWHBE₇ 转化大肠杆菌后表达产生分子量为 70 kD 的融合蛋白 lac-E₇,该蛋白在免疫印迹实验中可被标准 E₇ 单抗识别。经 IPTG 诱导后, E₇ 融合蛋白产量可达细菌总蛋白含量的 30%以上。利用 lac-E₇ 蛋白在细菌胞浆中形成包含体的性质、简便地提取并纯化了该蛋白质。结果为从免疫学角度探讨 HPV16 与宫颈癌的关系以及 HPV 疫苗的研制打下基础。

关键词 人乳头瘤病毒,克隆表达,融合蛋白,包含体,HPV E,蛋白

人乳头瘤病毒(human papillomavirus, HPV) 16 型与人类宫颈癌等多种恶性肿瘤的发生、发展关系密切。在 90%以上的宫颈癌活检标本中均可检测到 HPV16 的 DNA 或蛋白产物^[12]。目前认为 HPV16 致癌作用的分子机制与其几种主要癌基因 E_6 、 E_7 等的作用关系密切。 E_7 基因作为 HPV16 的主要转化基因,既能与 Ras 基因协同作用,又可灭活抑癌基因 Rb 的功能,成为 HPV16 感染细胞发生转化、癌变及恶性表型维持的基础^[2,3]。

HPV16 湖北株(HB 株)是 1994 年于中国湖北地区一宫颈癌组织 DNA 中分离并鉴定的 HPV16 变异株。经 DNA 测序分析表明该病毒 E₇ 基因第 43 位谷氨酰胺密码子发生无义突变,此突变使 E₇ 蛋白由标准时 98 个氨基酸残基截短为 43 位氨基酸残基的 E₇ 蛋白^[4]。为探讨 HB 株 E₇ 基因及蛋白的性质,我们将 HPV16 HB E₇ 基因由重组质粒 pUC18 E₇ 上亚克隆到原核表达载体 pWR590-1 上,获得重组质粒 pWHBE₇,该质粒在大肠杆菌中可高效表达融合蛋白 lac-E₇(含 590 个 lacZ 的氨基酸和 43 个 E₇ 的氨基酸残基)。该融合蛋白在细菌中以包含体形式存在于胞浆中,用 8 mol/L 脲溶的方法提取能简便制备该蛋白。这种融合蛋白可作为 E₇ 抗原,由于动物的免疫接种,为从免疫学角度探讨 HPV16 与宫颈癌间的关系以及 HPV 疫苗的研制提供了前提条件。

材料和方法

1 细菌和质粒

宿主菌 JM109、重组质粒 pUC18E₇ 由本室保存。pWR590-1 质粒由中科院上海细胞生物所郭礼和教授赠送;标准 HPV16 E₇ 单抗由美国 NIH 郑志明博士赠送。

收稿日期: 1997-12-11,修回日期: 1998-02-16

^{*} 湖北省科委"八五"重点攻关课题

2 重组质粒的构建

用限制性内切酶 EcoRI、 $Hind \coprod$ 、双酶切重组质粒 $pUC18E_7$,将完整的 HBE_7 基因切下并连接到表达载体 pWR590-1 的相应位点上。转化 $E.\ coli\ JM109$ 后,经 a-互补以及质粒 DNA 酶切分析筛选并鉴定阳性重组质粒。

3 重组质粒的诱导表达以及 Western blot 分析

将含阳性重组质粒的 E. coli JM109 单菌落接种于 LB 培养液中, 经 37 ℃过夜培养后, 将菌液接种于新鲜 LB 培养液中, 继续 37 ℃ 振荡培养 3 h 后, 用 IPTG 继续诱导培养 2 h。将上述菌液制成全菌裂解液, 加入等量 2、SDS 上样缓冲液后, 进行 8% SDS-PAGE。同时按常规方法进行 Western blot 分析结果。

4 包含体的提取[5,6]

制备 50 mL 经 IPTG 诱导培养过夜的前述菌液, 4 ℃下收获细菌, 菌体沉淀按 3 mL/g(湿重)的量加入裂解液, -20 ℃下反复冻融后经超声碎菌处理。以 12 000 r/min 4 ℃下离心 10 min, 菌体沉淀用 0.1%(V/V) Tween20 和 1 mol/L 脲各洗涤二次。用 8 mol/L 脲溶解沉淀,以 12 000 r/min 离心 20 min 收集上清。取 10 μ L 上述菌液加入等体积 2 × SDS 上样缓冲液后沸水浴 5 mm,进行 8% SDS-PAGE 电泳。

结 果

1 重组质粒的构建和鉴定

为了获得含 HPV16 HBE₇ 完整基因的重组表达质粒, 将 pUC18 E₇ 中的 E₇ 基因亚克隆到原核载体 pWR590-1 上, 位于 lac2 基因的下游。用 $E \infty R I$ 、Hind III 双酶切重组质粒, 以鉴定是否存在 E_7 基因(约 300 bp)DNA 片段的插入。结果表明 HBE₇ 基因已克隆到 pWR590-1(约含 4.7 kb)上, 该重组质粒命名为 pWHBE₇。见图 1。

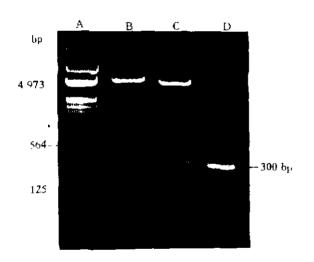


图 1 pWHB E₂ 的限制酶切鉴定

Fig. 1 Restriction endonuclease analysis of pWHB E₂ lane A: λDNA EcoR I / Hind III marker;
Lane B: pWR590-1 EcoR I;
lane C: pWHB E₂ EcoR I / Hind III;
Lane D: HPV16 E₂ PCR production.

2 重组蛋白的表达

pWHB E₇ 可表达生成一个含 633 个氨基酸残基的融合蛋白 lac-E₇(其中 E₇ 蛋白占 43 个 残基),经理论计算该融合蛋白分子量为 69 kD。将含 pWHB E₇ 的 E. coli JM109 菌液培养后制成的全细菌裂解液进行 8% SDS-PAGE,结果可见生成了一条新的蛋白条带,其分子量约 70 kD,与理论值一致,并且经 IPTG 诱导 2 h 后,其产量明显增加。凝胶经光密度扫描测定 lac-E₇ 蛋白产量占细菌总蛋白量的 30%以上。见图 2。

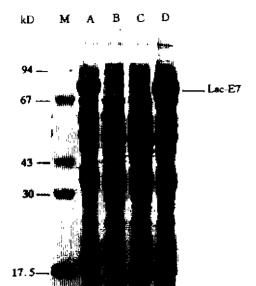


图 2 lac-E, 蛋白的表达和 8% SDS-PAGE

Fig. 2 Expression of lac-E₇ protein and 8% SDS-PAGE

Lane M: protein marker;
lane A: pWHB E₇(no IPTG)

lane B: E. cole JM109;

lane C: pWR590-1

lane D: pWHB E₇(IPTG induced 2 hours)

3 重组蛋白的 Western blot 分析

为测定 lac-E₇ 融合蛋白的抗原性和生物活性,我们进行了蛋白印迹分析。结果表明, lac-E₇ 能与标准 E₇ 单抗反应而于 NC 膜上发生显色反应,这说明该蛋白保留 HPV16 E₇ 蛋白的抗原性或决定簇。在 IPTG 诱导后,该 NC 膜显色增强,在主显色带远端又生成一分子量稍小且较弱的蛋白显色条带,称为 A 带(Additional band)。见图 3。

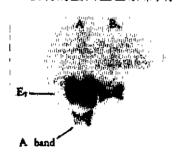


图 3 lac-E, 融合蛋白的 Western blot 分析

Fig. 3 Analysis of lac-E₇ fusion protein by Western blot

lane A: E. coli JM109 transfected with pWHBE₇(IPTG induced 2 hours)

lane B: E. coli JM109 transfected with pWHB E₇(no IPTG)

4 lac-E,包含体的提取

lac - E7 融合蛋白在 E. coli 中高效表达(达细菌总蛋白量的 30%以上),推测它将以包含体形式存在于细菌胞浆中。经超声波碎菌、离心、洗涤及 8 mol/L 脲溶的方法简便的提取并纯化了该融合蛋白。见图 4。

讨 论

目前依据 DNA 杂交及序列分析已鉴定了 77 种 HPV 型别。其中与恶性肿瘤关系密切的 HPV16 型的 E_6 、 E_7 等癌基因已被克隆。大量研究已证实 HPV16 E_7 基因及蛋白在宫颈癌发生、发展中具有关键作用。 E_7 基因全长 296 bp. 其表达水平与其转化功能密切相关,而且其转录剪切形式的不同造成产物产量的变化[7]。 E_7 蛋白由 98 个氨基酸残基组成,分子量约11 kD,

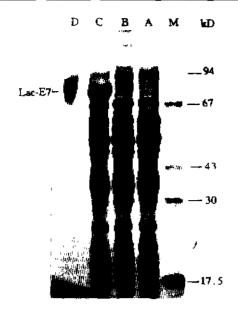


图 4 lac-E,包含体的提取

Fig 4 Extraction of lac-E₂ inclusion body

lane M: protein marker;

lane A: E. coli JM109 infected with pWR590-1;

lane B: E. colt JM109;

lane C: E. coli JM109 infected with pWHB E7;

lane D: lac-E7 inclusion body

N 端的 37 个氨基酸残基中含有 Rb 结合区及细胞激酶 II 磷酸化位点; C 端 60 个氨基酸残基含锌指结构并与 E_7 蛋白稳定性有关 E_7 蛋白能抑制 Rb 基因的功能, 并与胞内的 p107、p130蛋白、Cyclin A 等多种因子结合而促发转化、永生化培养细胞的作用, 构成 HPV16 致癌机制的中心环节。

众所周知, HPV 自身存在广泛变异, 已证实 HPV16 存在 5 个系统发育分支^[9]。HPV 的变异性对相关疾病的防治及疫苗研制均具有重要意义。HPV16 湖北株的 E, 基因存在突变, 其第 43 位密码子发生无义突变, 造成 E, 蛋白由 98 个氨基酸残基截短为仅含 N 端 43 个残基的多肽。为探讨 HPV16 HB 株 E, 蛋白的性质, 我们将 HPV16 HB E, 基因克隆到原核载体pWR590-1 上, 由此获得能高效表达 lac-E, 融合蛋白的重组质粒 pWHB E,。在 IPTG 诱导下, lac-E, 产量可达细菌总蛋白量的 30%。Western blot 分析表明 lac-E, 蛋白可被标准 E, 单抗识别, 说明该蛋白仍保留 E, 蛋白的抗原性, 这与 Stacey [10] 提出 E, 蛋白的 N 端是主要的 B 细胞识别区的结论一致, 这对于 HPV16 抗原性的研究具重要意义。同时 Western blot 中出现的 A 带,由于它可被 IPTG 诱导并且分子量约 64~65 kD, 故分析其来源可能为: (1) lac-E, 融合蛋白在细菌蛋白酶作用下的裂解产物; (2) lac-E, 的同源蛋白产物; (3) 抗原抗体的交叉反应。对于 A 带蛋白的性质有待进一步研究。

目前认为基因工程菌中外源蛋白产量占总量的 20%以上时,由于表达部位的低电势以及蛋白自身的特性、造成重组蛋白与杂蛋白、核酸等形成不溶性聚合物包含体^[11,12]。鉴于 lac-E₇蛋白的高产量,我们利用离心、洗涤、脲溶的方法,简便地提取了 lac-E₇蛋白。在提取过程中均采用适量 β-ME,以还原融合蛋白中的错配二硫键并提高溶液 pH 值,促进包含体的溶解并保护其生物活性。

HPV 具严格的嗜上皮性,难以在组织培养系统中生长、增殖。利用基因克隆技术,我们构建的 pWHE E₇ 能高效表达 lac-E₇ 融合蛋白,克服了 HPV 抗原成分制备上的困难,为进一步研究 HPV 的抗原性以及机体的免疫反应提供了前题条件。

第 13 卷

参考文献

- 1 Zur Hausen H. Papillomavirus infections a major cause of human cancers Biochimica et Biophisica Acta. 1996, 1288; F55 78
- 2 De Geest K, Bergman CA, Turyk ME et al. Differential response of cervical intraepithelial and cervical carcinoma cell line to transforming growth factor-β Gynecol. Oncology, 1994, 55:376 385
- 3 Chen LP, Thomas EK, Hu SL et al. Human papillomavirus type 16 nucleoprotein E₇ in a tumor rejection antigen. Proc Natl Acad Sci. USA, 1991,88:110 114
- 4 伍欣星,赵文先,丁晓华. 中国地方株人乳头瘤病毒 16 型 E, 基因一级结构及变异. 中华微生物学和免疫学杂志, 1996 (6):395-398
- 5 Shepherd PS, Tran TT, Rowe AJ et al. T cell response to the human papillomavirus type 16 E₇ protein in mice of different haplotypes. J Gen Virol, 1992, 73: 1269 1274
- 6 Jochmus-Kudielka I., Scheniden A. Braun R et al. Antibodies against the human papillomavirus type 16 early proteins in human sera; correlation of anti-E₂ reactivity, 1989, 81; 1698 1703
- 7 Liu ZJ, Ghai J, Ostrow RS et al. The expression levels of the human papillomavirus type 16 E₇ correlate with its transforming potential. Virol, 1995, 207:260 270
- 8 苏应斌, 赵文先. 人乳头瘤病毒 E, 蛋白的研究进展. (国外医学)分子生物学分册, 1995, 17(2), 62-65
- 9 Yamada T, Wheeler CM, Halpern A et al. Human papillomavirus type 16 variant lineages in United States populations characterized by nucleotide sequence analysis of the E_b, L2 and L1 coding segments. J Virol, 1995, 69:7743 7753
- 10 Stacey SN, Eklund C, Jordan D *et al*. Scanning the structure and antigenicity of HPV 16 E_b and E₇ oncoproteins using antipeptide antibodies. Oncogene, 1994, 9: 635 645
- 11 磨松山,刘钟滨,大肠杆菌外源基因表达产物的下游技术,《国外医学》遗传学分册,1995,18(3);124-127
- 12 Marston FAO. The purification of eukaryotic polypeptides synthesized in Escherutia coli. Biochem J, 1986, 240:1-12

Cloning and Expression of E₇ Gene of Human Papillomavirus Type 16 (HB Strain)

Zhao Min Wu Xinxing Zhao Wenxian

(Virus Research Institute, Hubei Medical University, Wuhan 430071)

Abstract HPV 16 (HB strain) E₇ gene was cloned into expression vector pWR590-1 by gene cloning technique. Recombinant plasmid pWHB E₇ was obstained by analysis of restrictional endonuclease. 70 kD HPV 16 (HB strain) E₇ fusion protein was expressed by E coli JM 109 transfected with pWHB E₇. The recombinant protein could be recognized by standard E₇ monocloned antibody in Western blot. The production of E₇ recombinant protein was more than 30 percent of total E coli protein by induction of IPTG. The E₇ fusion protein existing in inclusion body in E coli could be conveniently extracted and purified.

Key words HPV, Cloning expression, Fusion protein, Inclusion body, HPV E₇ protein