

# 禽流感病毒 HA 部分基因的克隆及其表达

陈全姣, 金梅林<sup>\*\*</sup>, 陈焕春

(华中农业大学动物医学院, 武汉 430070)

## The Cloning and Expressing of the Main Epitope of

### ha gene Fragment of Avian Influenza Virus

CHEN Quan-jiao, JIN Mei-lin<sup>\*\*</sup>, CHEN Huan-chun

(College of Animal Science and Veterinary medicine, Huazhong Agricultural University, Wuhan 430070, China)

**Abstract:** The gene fragment of Avian influenza virus (AIV) was amplified by RT-PCR. The results of sequence analysis showed that high homology (97 %) exists among duck, goose and Human influenza virus in Hongkong AIV in 1997, indicating that there are close relationship among these ha genes. The ha gene are expressed efficiently in *E. Coli*.

**Key words:** Avian influenza virus; ha gene; Clone; Express

关键词: 禽流感病毒; ha 基因; 克隆; 表达

中图分类号: S 831.7 文献标识码: A 文章编号: 1003-5125(2005)01-0087-02

禽流感病毒(Avian influenza virus, AIV)是正粘病毒科流感病毒属的成员。AIV 核酸为单链线状分段 RNA, 病毒表面囊膜上镶嵌着两种重要纤突, 即血凝素(HA)和神经氨酸酶(NA)。HA 和 NA 与病毒的毒力、传染性密切相关。其中 ha 基因是最重要的免疫原性基因, 它刺激机体所产生的抗体可中和病毒、抵抗感染, 同时, 由于 AIV 基因组中 ha 基因极易发生变异, 故对 ha 基因的研究已成为目前研究 AIV 的热点。我们已成功克隆了禽流感 ha 基因的部分片断, 并对其分子特性作了初步研究, 现报告如下:

## 1 材料与方法

### 1.1 病毒、菌株与质粒

禽流感病毒由本室分离鉴定并保存; 大肠杆菌 DH<sub>5</sub>、BL21(DE3), 质粒 pET-28b 均为本室保存; 限制性内切酶和工具酶, 蛋白质分子量标准物为 MBI 公司产品; RNA-SOLV Reagent RNA Isolation Solvent 购自 OMEGA 公司; pMD18-T, One step RNA PCR kit (AMV) 购自 TaKaRa 公司。

### 1.2 病毒 RNA 的提取及 RT-PCR 反应

RNA 的提取参照 OMEGA Biotech RNA-SOLV Reagent 的说明进行。参照有关文献<sup>[4]</sup>设计并合成一对简并引物(引物由上海生工合成)。

P1: 5' ACA CAT GCT CAG GAC ATA CT-3'

P2: 5' CTC TGA TTT AGT GTT GAT GT-3'

### 1.3 重组表达质粒的构建

重组表达质粒的构建按常规方法, 即将 ha 基因克隆入 pMD18-T 载体, 经测序确证后将其连入 pET-28b 表达载体, 从而构建重组原核表达质粒 pET-HA。

### 1.4 蛋白的表达与检测

提取所构建的原核表达质粒, 转化 BL21, 按常规方法进行 IPTG 诱导表达, SDS-PAGE 电泳、Western blotting 检测表达产物。

## 2 结果与讨论

### 2.1 ha 基因的 PCR 扩增及核苷酸序列和氨基酸序列分析

RT-PCR 结果扩增出一条 546 bp 大小的 DNA

收稿日期: 2004-07-20, 修回日期: 2004-10-19

作者简介: 陈全姣(1976-), 女, 湖北省籍, 硕士研究生, 主要从事动物病毒研究。

\*\* 通讯作者: 金梅林(1950-), 女, 湖北省籍, 教授, 研究方向为动物传染病。

Corresponding author. Tel: 027-87282608, E-mail: jm18328@hotmail.com

片断,与预期设计相符。

通过序列测定,测得的 *ha* 基因核苷酸序列长度为 526bp。与 1997 年人源流感病毒核苷酸序列、氨基酸序列同源性分别为 96%、95%,具有相同的裂解位点<sup>[2]</sup>,进一步警世禽流感对人类的威胁仍持续存在,也突出了加强监测和预警系统建设的重要性。而且亲源关系较近的病毒株有从无禽流感症状的鸭只中分离得到的<sup>[1,3,5]</sup>,说明养禽业受禽流感侵袭的威胁较大。

## 2.2 重组表达质粒的酶切鉴定

用 *Bam*HI、*Sal*I 酶切所得到的重组质粒,经 1.0%琼脂糖凝胶电泳,EB 染色后,于紫外灯下观察。所获得的重组质粒命名为 pET-HA。见图 1。

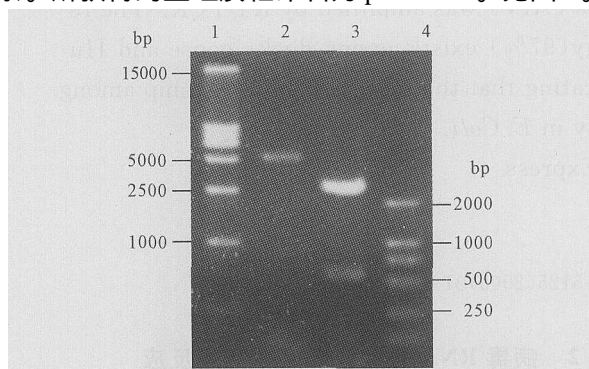


图 1 重组 pET-HA 质粒的酶切鉴定

Fig. 1 Identification of pET-HA by digesting

1, DNA Marker; 2, pET-28b vector digested by *Sal*I and *Bam*HI; 3, pET-HA vector digested by *Sal*I and *Bam*HI; 4, DNA Marker.

## 2.3 *ha* 基因在大肠杆菌中的表达

将重组质粒 pET-HA 转化表达宿主菌 BL21 (DE3), 培养诱导, 收集加入 IPTG 1h、2h、3h、4h 后的菌液, 按常规方法处理后, 经 SDS-PAGE 电泳分析, 在 30kDa 处出现明显蛋白带, 且重组蛋白表达量 3h 达到最高。见图 2。

本试验尝试在大肠杆菌中表达 *ha* 全基因, 但最

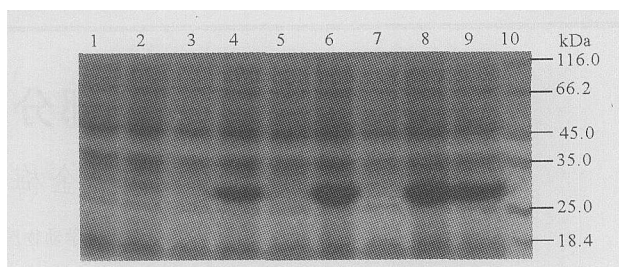


图 2 SDS-PAGE 的结果

Fig. 2 The result of SDS-PAGE

1/3/5/7, The expression product of pET-28b induced after 0h, 1h, 2h and 3h; 2/4/6/8/9, The expression product of pET-HA induced after 0h, 1h, 2h and 3h; 10, Protein standard.

终未能成功。据笔者了解, 全基因的表达比较困难, 而本试验 *ha* 部分基因的表达较为顺利, 而且表达量很高。这可能与 *ha* 基因前端的信号肽序列有关。此次尝试也为表达禽流感 *ha* 基因提供了一定的基础。

## 参考文献

- [1] Cauthen A N, Swayne D E, Schultz-Cherry S, *et al.* Continued circulation in China of highly pathogenic avian influenza viruses encoding the hemagglutinin associated with the 1997 H5N1 outbreak in poultry and humans [J]. *J Virol*, 2000, 74:6 592-6 599.
- [2] Claas E C, Osterhaus A D, van Beek R, *et al.* Human influenza A H5N1 virus related to a highly pathogenic avian influenza virus [J]. *Lancet*, 1998, 351:472-477.
- [3] Guan Y, Peiris M, Kong K F, *et al.* H5N1 Influenza Viruses Isolated from Geese in Southeastern China: Evidence for Genetic Reassortment and Interspecies Transmission to Ducks [J]. *Virology*, 2002, 292: 16-23.
- [4] Lee M S, Chang P C, Shien J H, *et al.* Identification and subtyping of avian influenza viruses by reverse transcription-PCR [J]. *J Virol Methods*, 2001, 97: 13-22.
- [5] Tumpey T M, Suarez D L, Perkins L E, *et al.* Characterization of a highly pathogenic H5N1 avian influenza A virus isolated from duck meat [J]. *J Virol*, 2002, 76:6 344-6 355.